

Atelier COMPIL : Utilisation de IRPF90

Écriture d'un code de dynamique moléculaire

Anthony Scemama

—
Laboratoire de Chimie et Physique Quantiques
CNRS-IRSAMC, Université de Toulouse, France
scemama@irsamc.ups-tlse.fr
<http://irpf90.ups-tlse.fr>
—

31 Mai 2011

1 Introduction

La dynamique moléculaire permet d'observer le mouvement d'atomes au cours temps en fonction de leurs positions et vitesses initiales. Dans cet atelier, nous allons écrire un programme de dynamique moléculaire pour illustrer l'utilisation de l'outil IRPF90. Ce programme va lire les paramètres du champ de forces et les positions initiales des atomes, puis va imprimer dans un fichier les coordonnées des atomes après chaque petit déplacement des atomes en fonction de leur vitesse. Ce fichier pourra ensuite être visualisé avec des outils adaptés (Molden par exemple).

Nous allons devoir programmer :

- L'énergie potentielle d'une paire d'atomes (potentiel de Lennard-Jones). Cela nous familiarisera avec l'environnement IRPF90.
- L'énergie potentielle et cinétique d'un système de N atomes. Ici, nous créerons des tableaux dont les dimensions sont des entités IRP.
- L'accélération des particules par différences finies. Nous verrons que tout ceci est extrêmement simple avec le mot-clé TOUCH.
- L'algorithme de Verlet pour faire bouger le tout.

Et en bonus :

- un programme fortran qui donne la liste des entités IRP et leur documentation. Nous verrons comment inclure des scripts pour générer du code.

Avant toute chose, vous devez télécharger irpf90 sur <http://irpf90.ups-tlse.fr>. Vous devez aussi disposer de

- Python 2.4 ou supérieur

- Un compilateur Fortran
- make

Pour le programme qui suit, on utilisera les paramètres de l'atome d'Argon:

- masse : 39.948 g/mol
- $\epsilon = 0.0661$ j/mol
- $\sigma = 0.3345$ nm

Les coordonnées des atomes seront exprimées en nm.

2 Écriture du programme

2.1 Préparation de l'environnement

Créez un nouveau répertoire de travail. Allez dans ce répertoire et tapez la commande

```
$ irpf90 --init
```

Deux répertoires temporaires sont créés:

```
$ ls
IRPF90_man  IRPF90_temp  Makefile
```

et un Makefile standard est produit, utilisant par défaut **gfortran**.

```
$ cat Makefile
IRPF90 = irpf90 #-a -d
FC      = gfortran
FCFLAGS= -ffree -line-length-none -O2

SRC=
OBJ=
LIB=

include irpf90.make

irpf90.make: $(wildcard *.irp.f)
              $(IRPF90)
```

Dans le makefile, activez les assertions grace à l'option **-a** de **irpf90**. Activez aussi le debug pour suivre le parcours de l'arbre dans la sortie.

```
IRPF90 = irpf90 -a -d
```

2.2 Potentiel de Lennard-Jones

Exercice

Ecrire un programme qui calcule le potentiel de Lennard-Jones:

$$V(r) = 4\epsilon \left[\left(\frac{\sigma}{r} \right)^{12} - \left(\frac{\sigma}{r} \right)^6 \right] \quad (1)$$

en demandant à l'utilisateur les valeurs de σ , r et ϵ . Créez le programme principal dans un fichier nommé `test.irp.f` et les providers nécessaires dans un fichier nommé `potential.irp.f`. Vous n'avez pas besoin de modifier le `Makefile`.

Pour compiler le programme, tapez juste

```
$ make
Makefile:9: irpf90.make: No such file or directory
irpf90
IRPF90_temp/potential.irp.module.F90
IRPF90_temp/potential.irp.F90
IRPF90_temp/test.irp.module.F90
IRPF90_temp/test.irp.F90
gfortran -O2 -c IRPF90_temp/test.irp.module.F90 -o IRPF90_temp/test.irp.module.o
gfortran -O2 -c IRPF90_temp/potential.irp.module.F90 -o IRPF90_temp/potential.irp.module.o
gfortran -O2 -c IRPF90_temp/test.irp.F90 -o IRPF90_temp/test.irp.o
gfortran -O2 -c IRPF90_temp/irp_stack.irp.F90 -o IRPF90_temp/irp_stack.irp.o
gfortran -O2 -c IRPF90_temp/potential.irp.F90 -o IRPF90_temp/potential.irp.o
gfortran -O2 -c IRPF90_temp/irp_touchees.irp.F90 -o IRPF90_temp/irp_touchees.irp.o
gfortran -o test IRPF90_temp/test.irp.o IRPF90_temp/test.irp.module.o IRPF90_temp/irp_stack.irp.o IRPF90_temp/potential.irp.o IRPF90_temp/potential.irp.module.o IRPF90_temp/irp_touchees.irp.o
```

Et un binaire exécutable nommé `test` est créé

```
$ ls
irpf90_entities  IRPF90_man/  Makefile      test*
irpf90.make      IRPF90_temp/ potential.irp.f test.irp.f
```

À la compilation, ignorez la ligne :

```
Makefile:9: irpf90.make: No such file or directory
```

C'est un warning, pas une erreur. Le fichier `irpf90.make` n'existe effectivement pas. Il va donc être créé automatiquement en appelant `irpf90`.

Solution

```
1 ! Fichier test.irp.f
2 program test
3   print *, V_lj
4 end program
5
```

```

6 | ! Fichier potential.irp.f
7 | BEGIN_PROVIDER [ double precision, V_lj ]
8 |   implicit none
9 |   BEGIN_DOC
10 | ! Lennard Jones potential energy.
11 |   END_DOC
12 |   double precision :: sigma_over_r
13 |   sigma_over_r = sigma_lj / interatomic_distance
14 |   V_lj = 4.d0 * epsilon_lj * ( sigma_over_r**12 - sigma_over_r**6 )
15 | END_PROVIDER
16 |
17 | BEGIN_PROVIDER [ double precision, epsilon_lj ]
18 | &BEGIN_PROVIDER [ double precision, sigma_lj ]
19 |   implicit none
20 |   BEGIN_DOC
21 | ! Parameters of the Lennard-Jones potential
22 |   END_DOC
23 |   print *, 'Epsilon?'
24 |   read(*,*) epsilon_lj
25 |   ASSERT (epsilon_lj > 0.)
26 |   print *, 'Sigma?'
27 |   read(*,*) sigma_lj
28 |   ASSERT (sigma_lj > 0.)
29 | END_PROVIDER
30 |
31 | BEGIN_PROVIDER [ double precision, interatomic_distance ]
32 |   implicit none
33 |   BEGIN_DOC
34 | ! Distance between the atoms
35 |   END_DOC
36 |   print *, 'Inter-atomic_distance?'
37 |   read (*,*) interatomic_distance
38 |   ASSERT (interatomic_distance >= 0.)
39 | END_PROVIDER

```

Sortie

```

$ ./test
      0 : -> provide_v_lj
      0 : -> provide_epsilon_lj
      0 : -> epsilon_lj
Epsilon?
0.0661
Sigma?
0.3345
      0 : <- epsilon_lj  1.00000000000000002E-003
      0 : <- provide_epsilon_lj  1.00000000000000002E-003
      0 : -> provide_interatomic_distance
      0 : -> interatomic_distance
Inter-atomic distance?
.3

```

```

0 : <- interatomic_distance 0.0000000000000000
0 : <- provide_interatomic_distance 0.0000000000000000
0 : -> v_lj
0 : <- v_lj 0.0000000000000000
0 : <- provide_v_lj 1.00000000000000002E-003
0 : -> test
0.46819241808782691
0 : <- test 0.0000000000000000

```

2.3 Description des atomes

Exercice

Dans le même répertoire, écrivez un programme qui lit dans l'entrée standard le nombre de noyaux, puis, pour chaque atome, sa masse et ses coordonnées x , y et z . Il imprimera ensuite la matrice des distances entre paires d'atomes.

Ici, il faudra créer

- un provider pour `Natoms`, le nombre d'atomes (un entier)
- un provider pour `coord` et `mass`, les coordonnées et masses des atomes. Ce sont des tableaux de réels de dimensions $(3, \text{Natoms})$ et (Natoms)
- un provider pour `distance`, la matrice des distances de dimension $(\text{Natoms}, \text{Natoms})$

Voilà la sortie que vous devez obtenir:

```

$ ./test2
0 : -> provide_distance
0 : -> provide_natoms
0 : -> natoms
Number of atoms?
3
0 : <- natoms 1.00000000000000002E-003
0 : <- provide_natoms 1.00000000000000002E-003
0 : -> provide_coord
0 : -> coord
For each atom: x, y, z, mass?
0. 0. 0. 40.
1. 2. 3. 10.
-1. 0. 2. 20.
0 : <- coord 1.00000000000000002E-003
0 : <- provide_coord 1.00000000000000002E-003
0 : -> distance
0 : <- distance 0.0000000000000000
0 : <- provide_distance 2.00000000000000004E-003
0 : -> test2
0.0000000000000000      3.7416573867739413      2.2360679774997898
3.7416573867739413      0.0000000000000000      3.0000000000000000
2.2360679774997898      3.0000000000000000      0.0000000000000000
0 : <- test2 0.0000000000000000

```

Vous pouvez vérifier que vous avez bien documenté votre code en utilisant la commande `irpman`.

```
$ irpman coord
```

vous ouvrira une “man page” qui vous renseignera sur l’entité `coord`. La liste de toutes les entités se trouve dans le fichier `irpf90_entities`.

Solution

```
1  ! Fichier test2.irp.f
2  program test2
3  integer :: i
4  do i=1,Natoms
5  print *, distance(:,i)
6  enddo
7  end program
8
9  ! Fichier atoms.irp.f
10 BEGIN_PROVIDER [ integer , Natoms ]
11 implicit none
12 BEGIN_DOC
13 ! Number of atoms
14 END_DOC
15 print *, 'Number_of_atoms?'
16 read(*,*) Natoms
17 ASSERT (Natoms > 0)
18 END_PROVIDER
19
20 BEGIN_PROVIDER [ double precision , coord , (3,Natoms) ]
21 &BEGIN_PROVIDER [ double precision , mass , (Natoms) ]
22 implicit none
23 BEGIN_DOC
24 ! Atomic data, input in atomic units.
25 END_DOC
26 print *, 'For_each_atom:_x,_y,_z,_mass?'
27 integer :: i,j ! On peut declarer les variables n'importe ou dans le provider
28 do i=1,Natoms
29 read(*,*) (coord(j,i), j=1,3), mass(i)
30 ASSERT (mass(i) > 0.)
31 enddo
32 END_PROVIDER
33
34 BEGIN_PROVIDER [ double precision , distance , (Natoms,Natoms) ]
35 implicit none
36 BEGIN_DOC
37 ! distance : Distance matrix of the atoms
38 END_DOC
39 integer :: i,j,k
40 do i=1,Natoms
41 do j=1,Natoms
42 distance(j,i) = 0.
43 do k=1,3
```

```

44     distance(j,i) += (coord(k,i)-coord(k,j))**2  ! Operateur d'incrementation +=
45     enddo
46     distance(j,i) = sqrt(distance(j,i))
47     enddo
48     enddo
49 END_PROVIDER

```

2.4 Potentiel pour plusieurs particules

Exercice

Changez le provider de V_{LJ} du premier programme. Maintenant, au lieu de calculer le potentiel de Lennard-Jones pour une distance r , vous devrez calculer l'énergie potentielle totale qui est la somme des énergies potentielles par paires d'atomes:

$$V_{LJ} = \sum_{i=1}^{\text{Natoms}} \sum_{i=j+1}^{\text{Natoms}} V(r_{ij}) \quad (2)$$

Les dépendances ont changé, et IRPF90 en tient compte automatiquement. Relancer le programme test pour le vérifier.

Solution

```

1  ! Fichier potential.irp.f
2  BEGIN_PROVIDER [ double precision, V ]
3  implicit none
4  BEGIN_DOC
5  ! Potential energy.
6  END_DOC
7  V = V_lj
8  END_PROVIDER
9
10 BEGIN_PROVIDER [ double precision, V_lj ]
11 implicit none
12 BEGIN_DOC
13 ! Lennard Jones potential energy.
14 END_DOC
15 integer :: i,j
16 double precision :: sigma_over_r
17 V_lj = 0.
18 do i=1,Natoms
19   do j=i+1,Natoms
20     ASSERT (distance(j,i) > 0.)  ! On veut eviter la division par zero
21     sigma_over_r = sigma_lj / distance(j,i)
22     V_lj += sigma_over_r**12 - sigma_over_r**6
23   enddo
24 enddo
25 V_lj *= 4.d0 * epsilon_lj  ! Operateur *=
26 END_PROVIDER

```

Sortie

```
$ ./ test
      0 : -> provide_v_lj
      0 : -> provide_epsilon_lj
      0 : -> epsilon_lj
Epsilon?
0.0661
Sigma?
.3345
      0 : <- epsilon_lj    0.0000000000000000
      0 : <- provide_epsilon_lj    0.0000000000000000
      0 : -> provide_natoms
      0 : -> natoms
Number of atoms?
3
      0 : <- natoms    1.00000000000000002E-003
      0 : <- provide_natoms    1.00000000000000002E-003
      0 : -> provide_distance
      0 : -> provide_coord
      0 : -> coord
For each atom: x, y, z, mass?
0 0 0 10
0 0 .3 20
.1 .2 -.3 15
      0 : <- coord    0.0000000000000000
      0 : <- provide_coord    0.0000000000000000
      0 : -> distance
      0 : <- distance    0.0000000000000000
      0 : <- provide_distance    0.0000000000000000
      0 : -> v_lj
      0 : <- v_lj    0.0000000000000000
      0 : <- provide_v_lj    1.00000000000000002E-003
      0 : -> test
0.39685690695535714
      0 : <- test    0.0000000000000000
```

2.5 Énergie cinétique des atomes

Exercice

Ecrivez un programme qui écrit l'énergie totale $E_{\text{tot}} = T + V$, où T est l'énergie cinétique du système. Écrivez ici le provider de l'énergie cinétique, et le provider de l'énergie totale E_{tot} . Toutes les vitesses seront choisies égales à zéro par défaut dans le provider des vitesses. Souvenez-vous que vous avez déjà le provider des masses atomiques.

$$T = \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{\text{Natoms}} m_i v_i^2 \quad (3)$$

Solution

```
! Fichier test3.irp.f
program test3
  print *, E_tot
end program

! Fichier energy.irp.f
BEGIN_PROVIDER [ double precision, E_tot ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Total energy of the system
  END_DOC
  E_tot = T + V
END_PROVIDER

! Fichier velocity.irp.f
BEGIN_PROVIDER [ double precision, T ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Kinetic energy per atom
  END_DOC
  T = 0.d0
  integer :: i
  do i=1,Natoms
    T += mass(i) * velocity2(i)
  enddo
  T *= 0.5d0
END_PROVIDER

BEGIN_PROVIDER [ double precision, velocity2, (Natoms) ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Square of the norm of the velocity per atom
  END_DOC
  integer :: i, k
  do i=1,Natoms
    velocity2(i) = 0.d0
    do k=1,3
      velocity2(i) += velocity(k,i)*velocity(k,i)
    enddo
  enddo
END_PROVIDER

BEGIN_PROVIDER [ double precision, velocity, (3,Natoms) ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Velocity vector per atom
  END_DOC
  integer :: i, k
  do i=1,Natoms
```

```

do k=1,3
  velocity(k,i) = 0.d0
enddo
enddo
END_PROVIDER

```

Sortie

```

$ ./test3
0 : -> provide_e_tot
0 : -> provide_t
0 : -> provide_velocity2
0 : -> provide_velocity
0 : -> provide_natoms
0 : -> natoms
Number of atoms?
3
0 : <- natoms 0.0000000000000000
0 : <- provide_natoms 0.0000000000000000
0 : -> velocity
0 : <- velocity 0.0000000000000000
0 : <- provide_velocity 0.0000000000000000
0 : -> velocity2
0 : <- velocity2 0.0000000000000000
0 : <- provide_velocity2 0.0000000000000000
0 : -> provide_coord
0 : -> coord
For each atom: x, y, z, mass?
0 0 0 10
0 0 .3 20
.1 .2 -.3 15
0 : <- coord 9.98999999999999888E-004
0 : <- provide_coord 9.98999999999999888E-004
0 : -> t
0 : <- t 0.0000000000000000
0 : <- provide_t 9.98999999999999888E-004
0 : -> provide_v
0 : -> provide_v_lj
0 : -> provide_epsilon_lj
0 : -> epsilon_lj
Epsilon?
0.0661
Sigma?
.3345
0 : <- epsilon_lj 1.0000000000000002E-003
0 : <- provide_epsilon_lj 1.0000000000000002E-003
0 : -> provide_distance
0 : -> distance
0 : <- distance 0.0000000000000000
0 : <- provide_distance 0.0000000000000000
0 : -> v_lj

```

```

0 : <- v_lj 0.0000000000000000
0 : <- provide_v_lj 1.0000000000000002E-003
0 : -> v
0 : <- v 0.0000000000000000
0 : <- provide_v 1.0000000000000002E-003
0 : -> e_tot
0 : <- e_tot 0.0000000000000000
0 : <- provide_e_tot 1.9989999999999991E-003
0 : -> test3
0.39685690695535714
0 : <- test3 0.0000000000000000

```

2.6 Calcul de l'accélération

Exercice

Le vecteur accélération \mathbf{a} est donnée par:

$$a_{x_i} = -\frac{1}{m_i} \frac{\partial V}{\partial x_i} \quad (4)$$

où x_i est la coordonnée x de l'atome i (un élément du tableau `coord`).

Écrivez le provider de `V_grad_numeric`, la dérivée de V par rapport à x_i en différences finies:

$$\frac{\partial V}{\partial x_i} \sim \frac{V(x_i + \Delta x_i) - V(x_i - \Delta x_i)}{2\Delta x_i} \quad (5)$$

Il sera nécessaire d'utiliser le mot-clé `TOUCH`. Le calcul de l'accélération ne doit pas dépendre de la méthode de calcul du gradient du potentiel. Nous utiliserons l'entité `V_grad` dans le provider de l'accélération, qui est une simple copie des valeurs de `V_grad_numeric` dans `V_grad`.

Solution

```

! Fichier test4.irp.f
program test4
  implicit none
  integer :: i
  do i=1,Natoms
    print *, acceleration(:,i)
  enddo
end program

! Fichier potential.irp.f
BEGIN_PROVIDER [ double precision, dstep ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Finite difference step
  END_DOC
  dstep = 1.d-4
END_PROVIDER

```

```

BEGIN_PROVIDER [ double precision , V_grad_numeric , (3,Natoms) ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Numerical gradient of the potential
  END_DOC
  integer :: i , k
  do i=1,Natoms
    do k=1,3
      coord(k,i) += dstep    ! On deplace la coordonnee x_i en x_i + delta
      TOUCH coord            ! On informe IRPF90 que coord a ete modifie
      V_grad_numeric(k,i) = V      ! V est ici V(x_i + delta)
      coord(k,i) -= 2.d0*dstep    ! On deplace la coordonnee x_i en x_i - delta
      TOUCH coord            ! On informe IRPF90 que coord a ete modifie
      V_grad_numeric(k,i) -= V ! V est ici V(x_i - delta)
      V_grad_numeric(k,i) *= .5d0/dstep
      coord(k,i) += dstep    ! On remet x_i a sa position d'origine
                           ! Il n'est pas necessaire de re-toucher coord puisque :
                           ! - au prochain tour de boucle, il est re-touche
                           ! - a la sortie de la boucle, il est 'soft-touche'

    enddo
  enddo
  SOFT_TOUCH coord    ! Ne re-provide pas les entites courantes. Ici, V
                     ! ne serait pas re-calcule. Economise du temps de calcul,
                     ! mais ne peut etre utilise que lorsque plus rien n'est
                     ! utilise apres.
END_PROVIDER

BEGIN_PROVIDER [ double precision , V_grad , (3,Natoms) ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Gradient of the potential
  END_DOC
  integer :: i , k
  do i=1,Natoms
    do k=1,3
      V_grad(k,i) = V_grad_numeric(k,i)
    enddo
  enddo
END_PROVIDER

BEGIN_PROVIDER [ double precision , acceleration , (3,Natoms) ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Acceleration = - grad(V)/m
  END_DOC
  integer :: i , k
  do i=1,Natoms
    do k=1,3
      acceleration(k,i) = -V_grad(k,i)/mass(i)
    enddo
  enddo

```

END_PROVIDER

Sortie

```
$ ./test4
      0 : -> provide_acceleration
      0 : -> provide_natoms
      0 : -> natoms
Number of atoms?
3
      0 : <- natoms      0.0000000000000000
      0 : <- provide_natoms  0.0000000000000000
      0 : -> provide_coord
      0 : -> coord
For each atom: x, y, z, mass?
0 0 0 10
0 0 .3 20
.1 .2 -.3 15
      0 : <- coord      0.0000000000000000
      0 : <- provide_coord  0.0000000000000000
      0 : -> provide_v_grad
      0 : -> provide_v_grad_numeric
      0 : -> provide_v
      0 : -> provide_v_lj
      0 : -> provide_epsilon_lj
      0 : -> epsilon_lj
Epsilon?
0.0661
Sigma?
.3345
      0 : <- epsilon_lj  1.00000000000000002E-003
      0 : <- provide_epsilon_lj  1.00000000000000002E-003
      0 : -> provide_distance
      0 : -> distance
      0 : <- distance  0.0000000000000000
      0 : <- provide_distance  0.0000000000000000
      0 : -> v_lj
      0 : <- v_lj      0.0000000000000000
      0 : <- provide_v_lj  1.00000000000000002E-003
      0 : -> v
      0 : <- v      0.0000000000000000
      0 : <- provide_v  1.00000000000000002E-003
      0 : -> provide_dstep
      0 : -> dstep
      0 : <- dstep  0.0000000000000000
      0 : <- provide_dstep  0.0000000000000000
      0 : -> v_grad_numeric
      0 : -> touch_coord
      0 : <- touch_coord  0.0000000000000000
      0 : -> provide_v
      0 : -> provide_v_lj
```

```

0 :      -> provide_distance
0 :      -> distance
0 :      <- distance      0.0000000000000000
0 :      <- provide_distance  0.0000000000000000
0 :      -> v_lj
0 :      <- v_lj      0.0000000000000000
0 :      <- provide_v_lj  9.98999999999999888E-004
0 :      -> v
0 :      <- v      0.0000000000000000
0 :      <- provide_v  9.98999999999999888E-004
.....
0 :      -> touch_coord
0 :      <- touch_coord  0.0000000000000000
0 :      <- v_grad_numeric  1.09980000000000008E-002
0 :      <- provide_v_grad_numeric  1.199800000000000017E-002
0 :      -> v_grad
0 :      <- v_grad  0.0000000000000000
0 :      <- provide_v_grad  1.199800000000000017E-002
0 :      -> acceleration
0 :      <- acceleration  0.0000000000000000
0 :      <- provide_acceleration  1.199800000000000017E-002
0 :      -> test4
-1.21434697003541814E-003  -2.42873782738128874E-003  -2.8852483886702140
3.77225707531847476E-004  7.54451431647651383E-004  1.4421824477391931
3.06597036647815457E-004  6.13223309390657279E-004  5.88995461200022218E-004
0 :      <- test4  0.0000000000000000

```

2.7 Dynamique des atomes

Exercice

L'algorithme de Verlet est le suivant:

$$\mathbf{r}^{n+1} = \mathbf{r}^n + \mathbf{v}^n \Delta t + \mathbf{a}^n \frac{\Delta t^2}{2} \quad (6)$$

$$\mathbf{v}^{n+1} = \mathbf{v}^n + \frac{1}{2}(\mathbf{a}^n + \mathbf{a}^{n+1})\Delta t \quad (7)$$

où n est l'indice du pas courant, \mathbf{r} est le vecteur des positions, \mathbf{v} est le vecteur des vitesses, \mathbf{a} est le vecteur des accélérations, et Δt est un pas de temps.

Écrire une subroutine qui implémente l'algorithme de Verlet: À une itération n

- Calculer les coordonnées au pas $n + 1$
- Calculer la composante de la vitesse qui dépend de la position au pas n
- Faire le TOUCH des coordonnées et des vitesses
- Ajouter aux vitesses la partie qui dépend du pas $n + 1$
- Faire le TOUCH des vitesses

Solution

```
program test5
! Fichier verlet.irp.f
BEGIN_PROVIDER [ integer , Nsteps ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Number of steps for the dynamics
  END_DOC
  print *, 'Nsteps?'
  read(*,*) Nsteps
  ASSERT (Nsteps > 0)
END_PROVIDER

  BEGIN_PROVIDER [ double precision , timestep ]
  &BEGIN_PROVIDER [ double precision , timestep2 ]
  implicit none
  BEGIN_DOC
  ! Time step for the dynamics
  END_DOC
  print *, 'Time_step?'
  read(*,*) timestep
  ASSERT (timestep > 0.)
  timestep2 = timestep*timestep
END_PROVIDER

subroutine verlet
  implicit none
  integer :: is , i , k
  do is=1,Nsteps
  ! call print_data(is)      ! A de-commenter pour l'exercice suivant
  do i=1,Natoms
  do k=1,3
    coord(k,i) += timestep*velocity(k,i) + 0.5*timestep2*acceleration(k,i)
    velocity(k,i) += 0.5*timestep*acceleration(k,i)
  enddo
  enddo
  TOUCH coord velocity
  do i=1,Natoms
  do k=1,3
    velocity(k,i) += 0.5*timestep*acceleration(k,i)
  enddo
  enddo
  TOUCH velocity
  enddo
end subroutine
```

Sortie (sans debug)

```

$ ./test5
Number of atoms?
3
For each atom: x, y, z, mass?
0 0 0 40
0 0 .5 40
.1 .2 -.5 40
    0.000000000000000000    0.000000000000000000    0.000000000000000000
    0.000000000000000000    0.000000000000000000    0.299999999999999999
    0.100000000000000001    0.200000000000000001    -0.299999999999999999
Epsilon?
.0661
Sigma?
.3345
Nsteps?
1000
Time step?
.2
-4.85173626539635722E-002 -9.70435730911516636E-002  0.18819318566003412
-1.11022168342603082E-002 -2.22085308639154572E-002  0.62064345350606354
 0.15961957948937169      0.31925210395487302      -0.80883663916789905

```

2.8 Gestion des fichiers

Exercice

Ajoutez une impression dans un fichier des coordonnées des atomes après chaque déplacement. Pour cela, vous devez décommenter la ligne de l'exercice précédent et écrire la subroutine `print_data` et les providers associés au fichier.

Solution

```

! Fichier files.irp.f
integer function getUnitAndOpen(f,mode)
! Trouve un numero d'unité et ouvre le fichier
implicit none
character*(*)      :: f
character*(128)    :: new_f
integer            :: iunit
logical            :: is_open, exists
character          :: mode

is_open = .True.
iunit = 10
new_f = f
do while (is_open)
  inquire(unit=iunit,opened=is_open)
  if (.not.is_open) then
    getUnitAndOpen = iunit
  endif
  iunit = iunit+1

```



```

enddo
if (mode.eq.'r') then
  inquire( file=f, exist=exists)
  if (.not.exists) then
    open( unit=getUnitAndOpen, file=f, status='NEW', action='WRITE')
    close( unit=getUnitAndOpen)
  endif
  open( unit=getUnitAndOpen, file=f, status='OLD', action='READ')
else if (mode.eq.'w') then
  open( unit=getUnitAndOpen, file=new_f, status='UNKNOWN', action='WRITE')
else if (mode.eq.'a') then
  open( unit=getUnitAndOpen, file=new_f, status='UNKNOWN', &
    action='WRITE', position='APPEND')
else if (mode.eq.'x') then
  open( unit=getUnitAndOpen, file=new_f)
endif
end function getUnitAndOpen

BEGIN_PROVIDER [ integer, output ]
  BEGIN_DOC
  ! File unit corresponding to the output file.
  END_DOC
  integer :: getUnitAndOpen
  output = getUnitAndOpen('output', 'w')
END_PROVIDER

subroutine print_data(is)
  implicit none
  integer, intent(in) :: is
  write(output,*) Natoms
  write(output, '(I8, 3(2X, E15.8))') is, V, T, E_tot
  integer :: i
  do i=1,Natoms
    write(output, '(A,3(2X,F15.8))') 'Ar', coord(:,i)
  enddo
end subroutine print_data

```

3 Bonus

3.1 Documentation du programme

```

program get_doc

integer :: iargc
character*(32) :: arg
integer :: i, j

!_____
! Commande : ./get_doc
! Imprime la liste des entites IRP

```

```

!-----
if (iargc() == 0) then
  print *, 'Liste_des_entites_IRP'
  do j=1,size(entities)
    print *, entities(j)
  enddo
  return
endif

```

```

!-----
! Commande : ./get_doc titi toto momo
! Imprime la documentation des entites IRP titi , toto et momo
!-----

```

```

do i=1,iargc()
  call getarg(i, arg)

```

```

!-----
! Script Python, execute a la compilation, qui trouve le nom de toutes les
! entites IRP. Si la variable est dans la ligne de commande, on imprime sa
! documentation. Le shell est dans le programme principal.
!-----

```

```

BEGIN_SHELL [ /usr/bin/python ]

```

```

import os
entities = []
for filename in os.listdir('.'): # On boucle sur tous les noms de fichiers
  if filename.endswith('.irp.f'): # Si le nom du fichier finit par .irp.f
    file = open(filename, 'r') # On l'ouvre
    for line in file: # Pour chacune de ses lignes
      if line.strip().lower().startswith('begin_provider'):
        # Si la ligne commence par
        # begin_provider (sans casse)
        name = line.split(',')[1].split(' ')[0].strip()
        # On decoupe la ligne pour en extraire
        # le nom de l'entite
        entities.append(name) # Et on la met dans la liste 'entities'
      file.close() # On ferme le fichier

for e in entities:
  print " _if_(arg_==_'%s')_then"%(e,)
  print " _print_*,_%s_doc"%(e,)
  print " _endif"

```

```

END_SHELL

```

```

enddo
end

```

```

!-----
! Script qui cree les provider necessaires. Ce shell n'est pas dans
! une subroutine ou un provider.
!-----

```

```

BEGIN_SHELL [ /usr/bin/python ]

import os
doc = {}
for filename in os.listdir('.'): # On boucle sur tous les noms de fichiers
    if filename.endswith('.irp.f'): # Si le nom du fichier finit par .irp.f
        file = open(filename, 'r') # On l'ouvre
        inside_doc = False # On n'est pas encore dans la doc
        for line in file: # Pour chacune des lignes
            if line.strip().lower().startswith('begin_provider'):
                # Si la ligne commence par
                # begin_provider (sans casse)
                name = line.split(',')[1].split(' ')[0].strip()
                # On decoupe la ligne pour en extraire
                # le nom de l'entite
                doc[name] = "" # La doc est initialisee vide
            elif line.strip().lower().startswith('begin_doc'):
                # Si la ligne commence par
                # begin_doc (sans casse)
                inside_doc = True # on est dans la doc
            elif line.strip().lower().startswith('end_doc'):
                # Si la ligne commence par
                # end_doc (sans casse)
                inside_doc = False # on n'est plus dans la doc
            elif inside_doc: # Sinon si on est dans la doc
                doc[name] += line[1:].strip()+"\n"
                # on ajoute a la doc de l'entite
                # la ligne courante.
        file.close() # On ferme le fichier

lenmax = 0
for e in doc.keys():
    lenmax = max(len(e), lenmax)

# On cree le provider de entites, la liste de toutes les entites
# -----
print "BEGIN_PROVIDER_[" + character*(lenmax) + "_entities_[" + lenmax + "]"%(lenmax, len(doc))
print "_BEGIN_DOC"
print "!_List_of_IRP_entities"
print "_END_DOC"
for i, e in enumerate(doc.keys()):
    print "entities(%d) = '%s'"%(i+1, e)
print "END_PROVIDER"

# On cree les providers de chacune des entites
# -----
for e in doc.keys():
    print "BEGIN_PROVIDER_[" + character*(len(doc[e])) + "_%s-doc_"%(len(doc[e]), e)
    print "_BEGIN_DOC"
    print "!_Documentation_of_variable_%s"%(e,)
    print "_END_DOC"

```

```
print " _%s_doc _='%s '"%(e, doc[e])  
print "END.PROVIDER"
```

```
END_SHELL
```